

DOI 10.12030/j.cjee.202303165 中图分类号 X703 文献标识码 A

吴清莲, 邓琳, 任韦同, 等. 微生物碳链延长技术转化废弃生物质合成中链脂肪酸[J]. 环境工程学报, 2023, 17(7): 2099-2108. [WU Qinglian, DENG Lin, REN Weitong, et al. Medium chain fatty acids biosynthesis from waste biomass by microbial chain elongation technology[J]. Chinese Journal of Environmental Engineering, 2023, 17(7): 2099-2108.]

微生物碳链延长技术转化废弃生物质合成中链脂肪酸

吴清莲^{1,2},邓琳¹,任韦同¹,郭婉茜^{1,∞}

1.哈尔滨工业大学环境学院,城市水资源与水环境国家重点实验室,哈尔滨 150090; 2.四川大学建筑与环境学院,成都 610042

摘 要 "碳中和"目标下,废弃生物质制备可再生化学品成为落实碳中和、减污降碳等国家重大战略需求的重要技术之一。其中,微生物碳链延长技术生产中链脂肪酸 (MCFAs) 是高值化回收废弃碳源的一个重要方向。 MCFAs 作为生物基化学品新星,兼具经济、环保与实用性优势,可部分地替代化石原料合成环保型燃料与化学品,降低传统化石资源依赖与碳排放,助力经济社会发展绿色转型。为此,系统梳理了碳链延长技术的反应机理、功能菌群,以及 MCFAs 生产应用存在的关键瓶颈和研究进展,以期为相关领域研究者开展创新研究、突破技术瓶颈提供参考。

关键词 中链脂肪酸;碳链延长;废弃生物质;微生物;电子供体

面对当前日益严峻的环境污染和资源短缺问题,世界各国政府和科学家都大力提倡废弃生物质的资源化利用^[1]。由廉价废弃生物质生产的生物基化学品具有成本低、用途广和环境友好等优势,既可被加工成各类可生物降解的化工产品,也可作为绿色能源。回收利用生物质能不仅能有效减轻人类发展对不可再生化石资源的依赖,还能在一定程度上缓解废弃有机物对环境的污染。 微生物厌氧发酵技术是一种广受认可的生物基化学品生产平台,在微生物的作用下,廉价废弃生物质(如有机废水、餐厨垃圾、剩余污泥、农业废弃物等)可被转化为甲烷、乙醇、丁醇、乳酸、短链脂肪酸 (SCFAs)、中链脂肪酸 (MCFAs)等^[2]。

利用新兴的微生物碳链延长 (CE) 技术可实现高值资源化利用废弃生物质合成化学品 MCFAs。 图 1 所示为 CE 反应原理,当利用不同电子供体来引导 CE 反应进行时,差异主要在于电子供体氧 化阶段,而逆β氧化的代谢途径是相似的。例如,当利用乙醇作为电子供体时,乙醇会在乙醇脱 氢酶和乙醛脱氢酶的催化作用下转化依次转化为乙醛和乙酰辅酶 A。而当乳酸作为电子供体时, D-乳酸会通过旋光性转变为 L-乳酸,进一步在辅酶 I (NAD⁺) 和辅酶 A 作用下,先后被转化为丙酮 酸和乙酰辅酶 A。在后续循环的逆β氧化途径中,在酶促作用下,乙酰辅酶 A 可先与电子受体乙 酸结合生成丁酸,其进一步结合 1 分子的乙酰辅酶 A 通过延长碳链生成己酸^[3-5]。除了利用乙醇和 乳酸两种常见电子供体合成 MCFAs 外,合成气 (H₂、CO 和 CO₂) 发酵与 CE 反应的耦合也是生产

收稿日期: 2023-03-28; 录用日期: 2023-04-17

基金项目:四川省自然科学基金资助项目 (2022NSFSC1042);国家自然科学基金资助项目 (52000132)

第一作者: 吴清莲 (1990—), 女,博士,副教授, wuqinglian1990@163.com; ⊠通信作者: 郭婉茜 (1980—), 女,博士,教授, guowanqian@126.com





MCFAs 的重要途径。如图 2 所示,合成气可先通过碳固定通路 Wood-Ljungdahl 被转化为乙酰辅酶 A,生成的部分乙酰辅酶 A 可被转化为乙酸和乙醇,它们可分别作为 CE 反应的电子受体和电子供体被进一步地转化为 MCFAs^[5]。

相较于 SCFAs, MCFAs 的主要优势在于具有更高的能量密度和更强的疏水性,其附加值高, 在各个领域均有着广泛的应用^[6]。MCFAs 可加工为生物燃料,包括柴油和航空燃料^[7];可广泛应用 于化学药品的合成,如正己酸可用作绿色抗菌剂^[8];也可替代甲醇作为碳源,平均1.87~3.00 mg 的 MCFAs 可去除 1 mg 的氮和磷^[9];因其特殊的生物学功能,MCFAs 在动物饲料行业中常作为添加剂 出售^[9];此外,MCFAs 还可被甘油酯化为中链甘油三酯,具有良好的氧化稳定性,可进一步用于 化工生产中^[10]。不同类型 MCFAs 的功能总结如表 1 所示^[11-12]。因此,作为生物基化学品中的新 星,MCFAs 具有突出的实用性、经济性和环保性,极具推广利用价值。基于廉价废弃生物质为底 物的 MCFAs 规模化生产也能在一定程度上推动以 MCFAs 为基础原料的化工产业实现绿色可持续 发展之路。

1 CE 功能菌群

截至目前,研究者已分离几种能进行 CE 反应的纯菌株,主要包括 Clostridium kluyveri、 Megasphaera elsdenii、Clostridium sp. BS-1、Ruminococcaceae bacterium CPB6、Eubacterium limosum、



图 2 合成气发酵耦合碳链延长反应合成 MCFAs 过程

Fig. 2	Coupling syngas	fermentation	with chain	elongation	for MCFAs	synthesis
--------	-----------------	--------------	------------	------------	-----------	-----------

表	1	MCFAs	的种类与功能[11-12]

名称	碳原子数	功能
己酸	6	食品添加剂、人工香料、化工产品中间体、污水处理厂碳源
庚酸	7	人工香料、化学产品中间体、营养补充剂
辛酸	8	人工香料、癫痫治疗、营养补充剂、污水处理厂碳源
壬酸	9	人工香料、癫痫治疗、药物合成
癸酸	10	人工香料、化学中间体、抗菌剂
正十一烷酸	11	抗真菌剂
月桂酸	12	化学分析应用、癫痫治疗、污水处理厂碳源、食品中的组成部分

Eubacterium pyruvativoran 等几种。纯菌培养下的 CE 反应要求严格的灭菌环境和底物,这大大限制 了可利用的底物类型并复杂化了操作流程。混菌培养的 CE 方式则能够在非灭菌环境与底物以及适 当外界扰动下保持稳定运行^[13],因而其更适宜于以复杂废弃生物质为底物的 MCFAs 生产。本文重 点梳理 CE 混合功能菌群。

STEINBUSCH 等^[14] 首次证实,混合菌群可以利用乙醇和乙酸合成 MCFAs。混合菌可以来自污 泥、沉积物、自然废弃物以及其他有机物^[13,15-17],但为了达到较理想的 MCFAs 生产性能,这些混 合菌必须经过有目的的驯化过程,以使其适应底物和环境,并富集所需的 CE 功能微生物。 AGLER 等^[18] 将此过程定义为塑造微生物群,主要方法包括改变底物成分、调整运行条件和在运行 过程中施加扰动。利用自然界提取的混合菌群进行一段时间的微生物群塑造(控制 pH 为 5、温度 为 30 ℃、乙醇为底物和实时提取产物)后,此混合菌群利用复杂啤酒废液(包含乙醇、微生物残留 物和酵母细胞等)生产 MCFAs 时获得的产率甚至可以与纯培养的 CE 功能细菌 C. kluyveri 及工程菌 种 Escherichia coli 相比^[13]。经塑造后的菌群中,超过 50% 微生物属于 CE 功能菌 Clostridium spp., 其他物种则与水解反应和乙醇氧化有关^[13]。CE 菌群结构也主要依赖于底物组成,当利用甘油作为 底物,以厌氧消化污泥作为初始接种菌时,几乎没有 C. kluyveri,而 Clostridium butyricum 和 Escherichia coli 被大量富集,并在生产中发挥了主要作用^[19]。以含乳酸废弃物为底物时,一般较常见的微生物是 M. elsdenii,也有一些研究者发现 Veillonellaceae, Bacteroides spp.和 Comamonas spp.是 潜在的 CE 反应功能微生物^[20]。值得注意的是,相比于 CE 微生物可以直接利用的纯底物,当使用 实际废弃生物质为底物时,微生物群落结构会更复杂。例如,以酒厂废水为底物时,Bacteroides spp.、Oscillospira spp.和 Clostridium spp.在 MCFAs 生产过程中扮演着重要的角色^[17]。以黄水为底 物,以窖泥为接种菌反应 90 d 后,菌群中以 Clostridium IV 为主(占 79.07%),其在原始窖泥中只占 12.71%^[21]。据宏基因分析报告,由于窖泥中包含大量具有 CE 功能的微生物,因而窖泥是生产 MCFAs 的一种优质的微生物来源,将其进行驯化培养后能取得比其他菌源显著更佳的 MCFAs 生产 性能^[22]。

值得注意的是, 菌群重塑后, 环境变化也会再次改变微生物群落结构, 这并不利于保持 MCFAs 生产的稳定性与效能。因此, 防止菌群向不利方向演变, 同时保持长期生产的稳定性仍然 是一个很大的挑战, 其中反应器类型、运行参数、底物条件、产物浓度、新引入的微生物源都是 影响菌群变化的主要因素。有文献报道, 在接种相同的菌源 (*Clostridium spp.* > 50%) 时, 当底物由 乙醇和乙酸改为乳酸和丁酸后, 菌群的主要微生物变为 *Rhodocyclaceae K82 spp.* (63.3%) (30 d 后) 和 *Acinetobacter spp.* (62.9%) (140 d 后)^[23]; 当将底物中乙醇和乙酸比例提高到 15 后, 微生物群落从以 *Acinetobacter spp.* (62.9%) (140 d 后)^[23]; 当将底物中乙醇和乙酸比例提高到 15 后, 微生物群落从以 *Acinetobacter spp.* 55.5%, 130~145 d) 变为以 *Rhodocyclaceae K82 spp.*为主 (70.8%, 160~170 d)^[20]; 当使用酒糟作为底物并加快提取装置的回流速率时, *Bacteroides spp.*变为主要微生物^[17]; 而当以酸 乳清作底物时, *Bacteroidales spp.* (21.7%) 和 *Clostridiales spp.* (12.6%) 成为最主要的微生物^[24]。可 见, 为实现 MCFAs 的稳定和高效生产, 需要引导菌群向有益的结构和功能演变。为此, 未来的研 究还需要更深入地理解 CE 性能、运行条件、底物类型和微生物群落演变之间的关系, 以定向地指 导功能菌群构筑。

2 MCFAs 生产的限制难题与解决方法

废弃生物质生产 MCFAs 得以应用的关键挑战在于 MCFAs 浓度和产率低,这使得下游产品纯 度低、回收难,极大地限制了 MCFAs 的市场价值与应用范围。其主要原因在于底物转化率低、电 子供体物质缺乏、副产物分散碳流、MCFAs 反馈抑制以及 MCFAs 产物的分离提取难 (图 3)。

2.1 底物转化率问题

为了实现经济环保的 MCFAs 生产,研究人员偏向于使用富含有机物的废弃生物质而非纯化学物质作为原料。然而,废弃生物质中的大分子有机物需要经过溶解、水解、酸化和碳链延长等多步骤转化才能形成 MCFAs,这使得底物的整体转化效率比纯底物要低得多。据报道,当 80 g·L⁻¹ (以 COD 计)的餐厨垃圾和 12.8 g·L⁻¹ (以 COD 计)的乙醇作为混合底物时,最终 MCFAs 产量仅为约 11.49 g·L⁻¹ (以 COD 计), COD 转化率约为 12.38%,这意味着大部分有机物都未被充分利用^[25]。利用酸乳清作为底物时,COD 转化效率为 25%^[26]。利用剩余污泥和乙醇转化合成 MCFAs 时,总 COD 转化效率约为 21.43%^[27]。由此可见,以实际废弃生物质生产 MCFAs 的有机物转化效率大多低于 50%。当使用难降解生物质作为底物时,转化效率会更低。例如,WEIMER 等^[28]利用黑麦草和 乙醇作为原料,最终的碳回收量约等于添加的乙醇碳量,表明黑麦草在整个反应过程中基本未被 有效利用。

对于复杂的废弃生物质,其水解程度决定了后续反应的效率,然而外部添加的乙醇和生成的 MCFAs 在一定程度上抑制了水解速率^[25]。因此,可以通过两段式反应器将水解和酸化过程分离。 GROOTSCHOLTEN 等^[29]报道,通过运行两段式反应器促进餐厨垃圾水解/酸化,可将 MCFAs 产量 提高到 31.81 g·L⁻¹(以 COD 计),这比他们运行的一段式反应器获得的 MCFAs 产量提高了一倍以



图 3 废弃生物质生产 MCFAs 的主要限制难题与解决方法 Fig. 3 Major constraint s and solutions to MCFAs in waste biomass production

上^[25]。此外,当以酸乳清废物为底物时,两段式反应器获得了高达 53.5%的 COD 转化率^[24],而一段式反应器获得的底物 COD 转化率仅为 25%^[26]。为了促进剩余污泥中有机物利用,WU 等^[30]首先将剩余污泥转化为 SCFAs,然后将其与乙醇一起加入碳链延长反应器进行 MCFAs 生产,显著提高了总 COD 转化率,达到约 41.67%。显然,两段式反应器有利于提高废弃生物质的利用效率。但值得注意的是,对于一些难生物降解的底物,例如纤维素和木质纤维素类生物质,在进入反应器前可能还需要额外地施加预处理以促进难降解物质的分解。

2.2 电子供体问题

电子供体是开启 CE 反应的必要物质,合适的电子供体质量浓度以及电子供体/电子受体比例 对于保证高效的底物利用与 MCFAs 产率至关重要,这是因为电子供体物质氧化后可为后续的逆 β氧化途径提供能量、还原当量和必要中间产物乙酰辅酶 A,而这些是 MCFAs 合成的必要条件^[6]。 然而,在利用废弃生物质生产 MCFAs 时通常存在电子供体不足的问题,这直接导致 CE 过程停滞 或中断。比如,当以酒糟为底物时,由于乙醇不足,酒糟中只有约 30% 的 COD 可以被转化为 SCFAs 和 MCFAs^[31]。互营氧化菌-甲烷菌造成的乙醇过度氧化作用也会造成 CE 过程中的可用电子 供体缺乏,进而影响 MCFAs 合成^[32]。针对此问题,补充外源电子供体物质是其中一个有效的解决 方法。据报道,通过添加啤酒 (乙醇)补充电子供体,MCFAs 百分比增加到 54%,庚酸产量大大增 加到 17.7 g·L⁻¹ (以 COD 计)^[33]。相比之下,使用富含乙醇的酵母发酵啤酒作为原料,获得了高达 7.5 g·L⁻¹·d⁻¹ (以 COD 计)的庚酸产率,COD 转化率为 70.3%^[34]。同样地,利用富含乙醇的酒糟为底 物时也取得了 7 g·L⁻¹·d⁻¹ (以 COD 计)的 MCFAs 产率和 67% 的 COD 转化率,并且辛酸比例达到了 30%^[17]。此外,利用含有高比例乙醇/乙酸的合成气发酵液为底物时,获得了目前最高的辛酸产率 和转化率,分别为 19.4 g·L⁻¹·d⁻¹ (以 COD 计)和 96%^[20]。

补充外源电子供体可以提高 MCFAs 产量,但其也存在高物耗高成本的问题。因此,针对富含 碳水化合物的废弃生物质,可以通过将它们原位转化为乳酸来作为合成 MCFAs 的电子供体。通过 这种方法,NZETEU 等^[35]使用餐厨垃圾作为唯一底物获得了 23 g·L⁻¹ (以 COD 计)的辛酸产量。 XU 等^[24]和 DUBER 等^[16]在无外源电子供体添加下,利用酸乳清分别获得 50%和 58%~83%的

MCFAs 产率。因此,底物中电子供体的含量是影响 MCFAs 的生产和组成的关键因素,未来需要开展更多的研究以明确最佳电子供体含量值,以指导发酵条件和控制发酵进程。

2.3 副产物分散底物碳流问题

MCFAs 的微生物合成过程通常也会伴随着 SCFAs 和醇类的生成,它们无疑会分散底物碳流,从而降低 MCFAs 的产量。其中,SCFAs 主要来自于某些特定功能菌在进行碳链延伸时电子受体物质的不完全碳链延长。比如,C. kluyveri 在利用底物乙醇和乙酸时,获得的主要产物通常是丁酸而非己酸^[36]。ZHANG 等^[37] 证实,混合菌群可以转化 H₂和 CO₂ 生产 MCFAs,而观察到的 MCFAs 质量浓度 (1.4 g·L⁻¹) 显著低于 SCFAs 的质量浓度 (9.2 g·L⁻¹)。在以乙醇和丙酸为底物生产庚酸的实验中,获得的庚酸选择性 (23%)和质量浓度 (3.2 g·L⁻¹)均低于戊酸 (28%和 4.2 g·L⁻¹)^[38]。同样地,在以合成气发酵液为底物时也获得了较低的己酸产量 (1.7 g·L⁻¹·d⁻¹)和显著更高的丁酸产量 (20 g·L⁻¹·d⁻¹)^[39]。在接种瘤胃菌的混菌体系中,丁酸和戊酸的总质量浓度与己酸质量浓度相似 (4.9~6.1 g·L⁻¹)^[28]。此外,以剩余污泥和乙醇为底物获得的丁酸产量达到了 10.3 g·L⁻¹ (以 COD 计),超过了己酸产量的 3 倍^[40]。醇类是另一种常见的副产物,其主要是 SCFAs 和 MCFAs 的还原产物。将氢分压提高至 0.6 atm 时,在碳链延长反应器中观察到 0.4 g·L⁻¹ 丁醇^[41]。此外,在利用剩余污泥发酵液和乙醇生产 MCFAs 时也检测到丁醇和己醇,其总质量浓度甚至约占 MCFAs 质量浓度的 1/2^[40]。

为减少副产物分散碳流对于 MCFAs 合成的不利影响,近年来有研究者尝试将可介导直接种间 电子传递 (DIET) 的导电材料用于促进 SCFAs 和醇类转化^[42-43]。LIU 等^[44] 首次在 CE 反应器中添加生 物碳,发现其将反应滞后期缩短了 2.3 倍,并使废水转化己酸的产量提高了 46%。在最佳的生物碳 粒径 (<5 μm)下,丁酸的质量浓度仅为 0.3 g·L⁻¹,实现了 93.6% 的高己酸选择性,然而未添加生物 碳的对照组的丁酸质量浓度达到 6.4 g·L⁻¹,同时己酸选择性仅为 24.6%,表明生物碳有效地促进了 丁酸向己酸的进一步转化^[45]。GHYSELS 等^[46] 比较了生物碳和活性炭对 *C. klayveri* 纯培养体系中己 酸产量的影响,结果表明,10 g·L⁻¹生物碳实验组获得的己酸产率和产量分别为 12 g·L⁻¹·d⁻¹ 和 10.1 g·L⁻¹,同时活性炭也发挥了与生物碳类似的作用,但其需要比生物碳更高的用量。FU 等^[47] 发 现,添加了 2 g·L⁻¹导电材料纳米零价铁后获得了 3.25 g·L⁻¹己酸产量,比对照组高 16.7%,认为这 主要可归因于纳米零价铁对乙醇利用和丁酸延长的促进作用。WANG 等^[40]向反应器中添加 20 g·L⁻¹ 的导电材料零价铁 (200 目)以促进剩余污泥生产 MCFAs,结果表明与未添加零价铁的反应器相 比,添加零价铁后使得 SCFAs 和丁醇的质量浓度分别下降了约 300% 和 54%,同时 MCFAs 的质量 浓度增加了 5 倍以上 (从 2.9 g·L⁻¹增加到 15.4 g·L⁻¹(以 COD 计))。此外,检测发现导电性和电子转 移效率都得到了大幅提高,猜测零价铁可能充当电子穿梭体促进了 DIET 的发生,然而到目前为止 还没有直接证据来证实 CE 反应存在 DIET 过程。

2.4 MCFAs 的反馈抑制问题

未解离态的 MCFAs 自身带有毒性,当其达到毒性阈值时会对碳链延长菌产生反馈抑制行为, 从而可中断 MCFAs 的合成^[33]。有研究者发现,未解离态的己酸最低质量浓度为 4.6 g·L⁻¹ 时就完全 抑制了大肠杆菌,而癸酸的抑制浓度降低到了 3.4 g·L⁻¹,说明 MCFAs 的毒性随着碳链长度的增加 而加剧。在混菌培养中,MCFAs 对菌群的抑制毒性阈值可能更低,仅 0.4 g·L⁻¹ 己酸就可使微生物 活性降低,并抑制丁酸向己酸的转化^[39]。据报道,添加生物碳可有效缓解此毒性抑制效应^[44,45]。大 多数微生物会吸附在生物碳的粗糙表面或孔隙中,生物碳周围较高的 pH 值会降低微生物周围未解 离态 MCFAs 的浓度,进而减轻抑制行为。同样地,将微生物聚集成颗粒污泥也有助于微生物抵御 毒性物质,这也是因为颗粒污泥具有松散和多孔的结构^[30,4849]。此外,pH 可以影响 MCFAs 的电离 平衡,从而影响未解离 MCFAs 在发酵液中的浓度。有报道表明,在 pH 为 5.5 时,未解离的正己酸 质量浓度超过 0.8 g·L⁻¹,就会显著抑制微生物细胞的活性^[23],适当调高 pH 值以降低未解离 MCFAs 浓度也是缓解毒性效应的潜在方法^[14,50]。上述缓解产物毒性反馈抑制的方法均是将未解离 MCFAs 的浓度限制在碳链延长菌的耐受范围以内,然而低的 MCFAs 浓度会使得下游处理和产品回收困 难,因此,消除产物毒性抑制的根本方法是实时地提取出 MCFAs^[34]。

2.5 产物的分离提取问题

从发酵液中分离和提取 MCFAs 是实现其产业化生产应用的基本要求^[51]。在生物炼制厂中,产物的下游分离-提取通常占总生产成本的 40%~50%,因此,分离提取环节的技术改进非常重要^[52]。理想的分离-提取技术应该具有设备简单、运营成本低和工作效率高等特点^[53]。提取策略可分为下游提取和原位提取 2 种。考虑到未解离 MCFAs 对微生物的毒性行为,尤其是在生产较长碳链的 MCFAs (C8~C10)时,原位提取是首选的提取策略^[54]。

XIONG 等^[5]研究了基于纳滤的厌氧膜生物反应器在生产和提取 MCFAs 方面的能力,发现低 pH 和低压有利于排斥小分子酸,但其对 MCFAs 的选择性相对较低。相比之下,基于特定萃取溶剂 (如阿拉明 336,三正辛基磷氧化物)的液-液萃取法对 MCFAs 具有更高的选择度。目前基于液-液萃取的原位两相提取发酵反应器已被设计用于实现 MCFA 的生产和原位提取,其可提取出大于 90%的己酸^[56]。AGLER 等^[13]开发了一种基于中空纤维膜的液-液萃取装置,其具有隔离提取溶剂 与微生物和发酵液的优点,在运行中获得了 83%~85%的 MCFAs 提取效率,并在确保高 MCFA 生产速率为 7.5 g·L⁻¹·d⁻¹)的情况下,实现了反应器的长期 (550 d)运行,从酵母发酵啤酒中得到了良好的 MCFAs 生产效果^[34]。借助此原位的产物提取方法,以合成气发酵液为底物时也获得了当前最高的己酸产率 (19.4 g·L⁻¹·d⁻¹)^[20]。需要注意的是,碱性萃取溶液中提取出的 MCFAs 是以盐的形态存在,为了获得分子油状 MCFAs,XU 等^[9]在液-液膜萃取器后偶联了膜电解装置,利用两电解池之间的 pH 梯度实现了 MCFAs 盐向油状液体 (>90% 纯度)的有效分离,且无需添加盐酸等 pH 调节剂。在此基础上,CARVAJAL-ARROYO 等^[57]在放大的反应器中比较了 2 种在线萃取系统的 MCFAs 萃取性能,即膜萃取耦合 2 室膜电解和直接用 3 室膜电解,研究发现前者在收获 MCFAs 油产品方面表现更好(萃取效率 73%),且功耗(6.2 kWh·kg⁻¹油)比 3 室膜电解(160 kWh·kg⁻¹油)显著更低。此外,XU 等^[54]还开发了5 室电渗析/相分离电解池,其获得最大的 MCFAs 油通量为1.7 kg·d⁻¹·m⁻²,

功耗约为膜电解池的 1/10。然而,在提取低浓度 MCFAs 时,电渗析/相分离电解池的功耗会 大大增加,同时电渗析池内形成的盐会导致 提取系统的清洁和维护成本/时间增加,因 此,未来还需要更多的研究以攻克产物分离 提取中的难题。

3 微生物制 MCFAs 的应用

荷兰一家名为 ChainCraft 的工厂已经证明 了从食品废物中通过"酸化发酵+碳链延长"的 两级反应器提取 MCFAs 的商业可行性。该工 厂还配备了下游分离和纯化设备,以获得纯 净的 MCFAs 粉末和液态 2 种产品形式,并最 终加工成动物饲料,生产流程见图 4 (a)。然 而,其在生产过程中需要在碳链延长阶段添 加乙醇作为电子供体,这大大增加了生产成 本。对于此类富含碳水化合物的底物,原位 合成乳酸+碳链延长可能是更为经济环保的 MCFAs 替代生产策略,其可以免除添加外源 性电子供体步骤。此外,德国达姆施塔特的





一个堆肥厂实现了使用混合有机废弃物生产 SCFAs 和 MCFAs^[58]。生产流程分为4个阶段:首先通 过兼性厌氧处理获得富含脂肪酸的液体;然后通过厌氧发酵进一步降解有机物以提高脂肪酸含 量;进一步添加乙醇发生碳链延长过程获得 MCFAs;最后使用生物柴油作为提取剂提取出脂肪酸^[58]。 然而,上述应用实例中的有机废物组成的不稳定性也对脂肪酸产量和组成产生了影响,此外脂肪 酸的提取效率取决于其碳链长和极性,其中只有非极性脂肪酸可被提取,因此整个资源回收工艺 仍需改进。

综上所述,以废弃生物质生产 MCFAs 通常是基于多段式发酵,这要求相对较高的建设成本、占地面积和复杂的操作过程^[29]。未来的生产模式也可能考虑使用更集成的酸化发酵与碳链延长耦合单级过程 (图 4 (b)),正如被广泛应用的单级厌氧消化反应器。与厌氧消化类似,对于难降解的废弃生物质,在投入反应器之前也需要进行底物预处理以提高整体转化率。此外,考虑到MCFAs 积累对微生物的抑制影响,原位分离提取 MCFAs 对于确保高的微生物活性非常重要,这也被证明是高癸酸产量的必要条件^[20]。基于硅橡胶膜萃取^[13]和电渗析^[54]的 MCFAs 提取方法可以获得较高纯度 MCFA,有望在未来得到应用。

4 研究展望

基于混菌发酵的 CE 技术为废弃生物质减量和 MCFAs 生产提供了一个重要平台。然而,当前 较低的 MCFAs 浓度、产率与选择性增加了 MCFAs 产品提取和下游利用的难度,因此当前亟需提 高 MCFAs 生产性能以增强其市场竞争力,推动其规模化应用。为突破 MCFAs 生产瓶颈,提出以 下几点建议。

1) 构建高效产酸发酵体系。高效的功能菌群构建、菌群定向驯化、功能优化是提高 MCFAs 产量的关键,可借助先进的生物信息手段解析代谢途径、功能基因等,以精准优化系统性能。

2) 促进碳素定向转化。碳流分散消耗是限制 MCFAs 产量的直接原因,可通过抑制竞争反应、 调控氧化还原力、微生物电化学、化学催化等手段优化碳素转化途径。

3) 目标产物可控合成策略。混菌发酵制备 MCFAs 常以短碳链和混酸为主,目标酸纯度低、长链酸合成难,限制了产品的应用和经济价值,可通过代谢调控、功能重构和性能优化等方法,如 发挥导电介体、电磁场刺激、强化界面作用等化学手段优势,支撑生化过程的产物可控合成。

4) 产物分离提取技术与装备。亟需开发实时-原位 MCFAs 分离提取设备以攻克 MCFAs 反馈抑制瓶颈,可尝试将先进膜分离、电渗析、电泳分离等技术与生产反应器有效耦合,构建生产分离提取一体化的工艺装备。未来可通过生物化学材料等多手段多方法集成,突破底物转化与产物回收瓶颈,以实现 MCFAs 的高效生产与应用。

参考文献

- [1] 何品晶.农村生活垃圾处理的目标、原则和评价方法浅议[J].环境卫 生工程,2018,26:52-55.
- [2] 王薪淯,朱晓宇,李海翔,等.乳酸碳链延长技术及其在有机废弃物资 源化中的应用研究进展[J].应用与环境生物学报,2020,26(4):827-835.
- [3] SEEDORF H, FRICKE W F, VEITH B, et al. The genome of Clostridium kluyveri, a strict anaerobe with unique metabolic features[J]. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America, 2008, 105: 2128-2133.
- [4] PRABHU R, ALTMAN E, EITEMAN M A. Lactate and acrylate metabolism by Megasphaera elsdenii under batch and steady-state conditions[J]. Applied and Environmental Microbiology, 2012, 78: 8564-8570.
- [5] SPIRITO C M, RICHTER H, RABAEY K, et al. Chain elongation in anaerobic reactor microbiomes to recover resources from waste[J]. Current Opinion in Biotechnology, 2014, 27: 115-122.

- [6] WU Q, BAO X, GUO W, et al. Medium chain carboxylic acids production from waste biomass: Current advances and perspectives[J]. Biotechnology Advances, 2019, 37: 599-615.
- [7] HARVEY B G, MEYLEMANS H A. 1-Hexene: a renewable C6 platform for full-performance jet and diesel fuels[J]. Green Chemistry, 2014, 16: 770-776.
- [8] DESBOIS A P. Potential applications of antimicrobial fatty acids in medicine, agriculture and other industries[J]. Recent Patents on Antiinfective Drug Discovery, 2012, 7: 111-122.
- [9] XU J, GUZMAN J J, ANDERSEN S J, et al. In-line and selective phase separation of medium-chain carboxylic acids using membrane electrolysis[J]. Chemical Communications (Cambridge, England), 2015, 51: 6847-6850.
- [10] 刘翠, 吴元, 朱丽可, 等. 中链脂肪酸的研究进展[J]. 广东化工, 2021, 48(438): 60-61.
- [11] JIANG Y, CHU N, QIAN D K, et al. Microbial electrochemical

stimulation of caproate production from ethanol and carbon dioxide[J]. Bioresource Technology, 2020, 295: 122266.

- [12] WU S L, SUN J, CHEN X, et al. Unveiling the mechanisms of mediumchain fatty acid production from waste activated sludge alkaline fermentation liquor through physiological, thermodynamic and metagenomic investigations[J]. Water Research, 2020, 169: 115218.
- [13] AGLER M T, SPIRITO C M, USACK J G, et al. Chain elongation with reactor microbiomes: upgrading dilute ethanol to medium-chain carboxylates[J]. Energy & Environmental Science, 2012, 5: 8189-8192.
- [14] STEINBUSCH K, HAMELERS H, Plugge C, et al. Biological formation of caproate and caprylate from acetate: fuel and chemical production from low grade biomass[J]. Energy & Environmental Science, 2011, 4: 216-224.
- [15] SCARBOROUGH M, LYNCH G, DICKSON M, et al. Increasing the economic value of lignocellulosic stillage through medium-chain fatty acid production[J]. Biotechnology for Biofuels, 2018, 11: 200.
- [16] DUBER A, JAROSZYNSKI L, ZAGRODNIK R, et al. Exploiting the real wastewater potential for resource recovery – n-caproate production from acid whey[J]. Green Chemistry, 2018, 20: 3790-3803.
- [17] KUCEK L, XU J, NGUYEN M, et al. Waste conversion into n-caprylate and n-caproate: resource recovery from wine lees using anaerobic reactor microbiomes and in-line extraction[J]. Frontiers in Microbiology, 2016, 7: 1-14.
- [18] AGLER M, WERNER J, ITEN L, et al. Shaping reactor microbiomes to produce the fuel precursor n-butyrate from pretreated cellulosic hydrolysates[J]. Environmental Science & Technology, 2012, 46: 10229-10238.
- [19] LENG L, YANG P, MAO Y, et al. Thermodynamic and physiological study of caproate and 1, 3-propanediol co-production through glycerol fermentation and fatty acids chain elongation[J]. Water Research, 2017, 114: 200-209.
- [20] KUCEK L, SPIRITO C, Angenent L. High n-caprylate productivities and specificities from dilute ethanol and acetate: chain elongation with microbiomes to upgrade products from syngas fermentation[J]. Energy & Environmental Science, 2016, 9: 3482-3494.
- [21] ZHU X, TAO Y, LIANG C, et al. The synthesis of n-caproate from lactate: a new efficient process for medium-chain carboxylates production[J]. Scientific Reports, 2015, 5: 14360-14368.
- [22] TAO Y, WANG X, LI X, et al. The functional potential and active populations of the pit mud microbiome for the production of Chinese strong-flavour liquor[J]. Microbial Biotechnology, 2017, 10: 1603-1615.
- [23] KUCEK L A, NGUYEN M, Angenent L T. Conversion of L-lactate into n-caproate by a continuously fed reactor microbiome[J]. Water Research, 2016, 93: 163-171.
- [24] XU J, HAO J, GUZMAN J, et al. Temperature-Phased conversion of acid whey waste into medium-chain carboxylic acids via lactic acid: no external e-donor[J]. Joule, 2018, 2: 280-295.
- [25] GROOTSCHOLTEN T, DALBORGO F, HAMELERS H, et al. Promoting chain elongation in mixed culture acidification reactors by addition of ethanol[J]. Biomass & Bioenergy, 2013, 48: 10-16.
- [26] DOMINGOS J, MARTINEZ G, SCOMA A, et al. Effect of operational parameters in the continuous anaerobic fermentation of cheese whey on titers, yields, productivities, and microbial community structures[J]. ACS Sustainable Chemistry & Engineering, 2016, 5: 1400-1407.
- [27] WU S L, LUO G, SUN J, et al. Medium chain fatty acids production from anaerobic fermentation of waste activated sludge[J]. Journal of Cleaner Production, 2021, 279: 123482.

- [28] WEIMER P J, NERDAHL M, BRANDL D J. Production of mediumchain volatile fatty acids by mixed ruminal microorganisms is enhanced by ethanol in co-culture with Clostridium kluyveri[J]. Bioresource Technology, 2015, 175: 97-101.
- [29] GROOTSCHOLTEN T, STRI D, STEINBUSCH K, et al. Two-stage medium chain fatty acid (MCFA) production from municipal solid waste and ethanol[J]. Applied Energy, 2014, 116: 223-229.
- [30] WU Q, FENG X, CHEN Y, et al. Continuous medium chain carboxylic acids production from excess sludge by granular chain-elongation process[J]. Journal of Hazardous Materials, 2020, 402: 123471.
- [31] ANDERSEN S, CANDRY P, BASADRE T, et al. Electrolytic extraction drives volatile fatty acid chain elongation through lactic acid and replaces chemical pH control in thin stillage fermentation[J]. Biotechnology for Biofuels, 2015, 8: 221.
- [32] ROGHAIR M, HOOGSTAD T, STRIK D, et al. Controlling ethanol use in chain elongation by co2 loading rate[J]. Environmental Science & Technology, 2018, 52: 1496-1505.
- [33] ANDERSEN S, GROOF V, KHOR W, et al. A clostridium group iv species dominates and suppresses a mixed culture fermentation by tolerance to medium chain fatty acids products[J]. Frontiers in Bioengineering and Biotechnology, 2017, 5: 8.
- [34] GE S, USACK J, SPIRITO C, et al. Long-term n-caproic acid production from yeast-fermentation beer in an anaerobic bioreactor with continuous product extraction[J]. Environmental Science & Technology, 2015, 49: 8012-8021.
- [35] NZETEU C, TREGO A, ABRAM F, et al. Reproducible, high-yielding, biological caproate production from food waste using a single-phase anaerobic reactor system[J]. Biotechnology for Biofuels, 2018, 11: 108.
- [36] LONKAR S, FU Z, HOLTZAPPLE M. Optimum alcohol concentration for chain elongation in mixed-culture fermentation of cellulosic substrate[J]. Biotechnology and Bioengineering, 2016, 113: 2597-2604.
- [37] ZHANG F, DING J, ZHANG Y, et al. Fatty acids production from hydrogen and carbon dioxide by mixed culture in the membrane biofilm reactor[J]. Water Research, 2013, 47: 6122-6129.
- [38] GROOTSCHOLTEN T, STEINBUSCH K, HAMELERS H, et al. High rate heptanoate production from propionate and ethanol using chain elongation[J]. Bioresource Technology, 2013, 136: 715-718.
- [39] VASUDEVAN D, RICHTER H, ANGENENT L. Upgrading dilute ethanol from syngas fermentation to n-caproate with reactor microbiomes[J]. Bioresource Technology, 2014, 151: 378-382.
- [40] WANG Y, WEI W, WU S L, et al. Zerovalent iron effectively enhances medium-chain fatty acids production from waste activated sludge through improving sludge biodegradability and electron transfer efficiency[J]. Environmental Science & Technology, 2020, 54: 10904-10915.
- [41] ZAGRODNIK R, DUBER A, LEZYK M, et al. Enrichment versus bioaugmentation-microbiological production of caproate from mixed carbon sources by mixed bacterial culture and Clostridium kluyveri[J]. Environmental Science & Technology, 2020, 54: 5864-5873.
- [42] HUANG W, YANG F, HUANG W, et al. Weak magnetic field significantly enhances methane production from a digester supplemented with zero valent iron[J]. Bioresource Technology, 2019, 282: 202-210.
- [43] ZHAO Z. LI Y, YU Q, et al. Ferroferric oxide triggered possible direct interspecies electron transfer between Syntrophomonas and Methanosaeta to enhance waste activated sludge anaerobic digestion[J]. Bioresource Technology, 2018, 250: 79-85.

- [44] LIU Y, HE P, SHAO L, et al. Significant enhancement by biochar of [52] RAM caproate production via chain elongation[J]. Water Research, 2017, 119: bioref
- 150-159.[45] LIU Y, HE P, HAN W, et al. Outstanding reinforcement on chain clonertien, through fue micrometer sized biocher[I]. Preservable
- elongation through five-micrometer-sized biochar[J]. Renewable
 Energy, 2020, 161: 230-239.
 [46] GHYSELS S, BUFFEL S, RABAEY K, et al. Biochar and activated
- [40] GHTSLES S, BOTTLE S, KADALT K, et al. Biotha and addraded carbon enhance ethanol conversion and selectivity to caproic acid by Clostridium kluyveri[J]. Bioresource Technology, 2021, 319: 124236.
- [47] FU X, YE R, JIN X, et al. Effect of nano zero-valent iron addition on caproate fermentation in carboxylate chain elongation system[J]. Science of the Total Environment, 2020, 743: 140664.
- [48] ROGHAIR M, STRIK D, STEINBUSCH K, et al. Granular sludge formation and characterization in a chain elongation process[J]. Process Biochemistry, 2016, 51: 1594-1598.
- [49] WU Q, FENG X, GUO W, et al. Long-term medium chain carboxylic acids production from liquor-making wastewater: Parameters optimization and toxicity mitigation[J]. Chemical Engineering Journal, 2020, 388: 124218.
- [50] WASELEFSKY W. Studies on the substrate range of Clostridium kluyveri; the use of propanol and succinate[J]. Archives of Microbiology, 1985, 141: 187-194.
- [51] CAVALCANTE W, LEITÃO R, GEHRING T, et al. Anaerobic fermentation for n-caproic acid production: A review[J]. Process Biochemistry, 2017, 54: 106-119.

(责任编辑:金曙光)

- [52] RAMASWAMY. Separation and purification technologies in biorefineries[J]. Focus on Catalysts, 2013, 10: 8.
- [53] MENON A, LYNG J G. Circular bioeconomy solutions: driving anaerobic digestion of waste streams towards production of high value medium chain fatty acids[J]. Reviews in Environmental Science and Bio/Technology, 2021, 20: 189-208.
- [54] XU J, GUZMAN J, ANGENENT L. Direct medium-chain carboxylic acid oil separation from a bioreactor by an electrodialysis/phase separation cell[J]. Environmental Science & Technology, 2021, 55: 634-644.
- [55] XIONG B, RICHARD T, KUMAR M. Integrated acidogenic digestion and carboxylic acid separation by nanofiltration membranes for the lignocellulosic carboxylate platform[J]. Journal of Membrane Science, 2015, 489: 275-283.
- [56] CHOI K, JEON B, KIM B, et al. In situ biphasic extractive fermentation for hexanoic acid production from sucrose by Megasphaera elsdenii NCIMB 702410[J]. Applied Biochemistry and Biotechnology, 2013, 171: 1094-1107.
- [57] CARVAJAL-ARROYO J, ANDERSEN S, GANIGUÉ R, et al. Production and extraction of medium chain carboxylic acids at a semipilot scale[J]. Chemical Engineering Journal, 2021, 416: 127886.
- [58] KANNENGIESSER J, SAKAGUCHI-SODER K, MRUKWIA T, et al. Extraction of medium chain fatty acids from organic municipal waste and subsequent production of bio-based fuels[J]. Waste Management, 2016, 47: 78-83.

Medium chain fatty acids biosynthesis from waste biomass by microbial chain elongation technology

WU Qinglian^{1,2}, DENG Lin¹, REN Weitong¹, GUO Wanqian^{1,*}

 State Key Laboratory of Urban Water Resource and Environment, School of Environment, Harbin Institute of Technology, Harbin 150090, China; 2. College of Architecture & Environment, Chengdu 610042, China
 *Corresponding author, E-mail: guowanqian@126.com

Abstract Under the goal of "carbon neutral", the preparation of renewable chemicals from waste biomass has become an important technology to implement major national strategies such as carbon neutrality, pollution reduction and carbon reduction. Among them, the production of medium-chain fatty acids (MCFAs) by microbial chain elongation (CE) technology is an important direction for high-value recovery of waste carbon sources. As a new star of bio-based chemicals, MCFAs have economic, environmental and practical advantages, which can partially replace fossil raw materials to synthesize environmentally friendly fuels and chemicals, reduce traditional fossil resource dependence and carbon emissions, and promote green transformation of economic and social development. This review aimed to introduce the mechanism and functional microbial communities of CE technology, as well as the key bottlenecks and research progress in the production and application of MCFAs, in order to inspire researchers to carry out innovative research and breakthrough technological bottlenecks.

Keywords medium chain fatty acids; chain elongation; waste biomass; microorganism; electron donor