



康沛伦, 李俊达, 叶晟祺, 等. 不同阳离子和碳氮比对反硝化性能及亚硝酸盐氮积累的影响[J]. 环境工程学报, 2022, 16(8): 2540-2548.
[KANG Peilun, LI Junda, YE Shengqi, et al. Effects of different cations and C/N on denitrification performance and nitrite accumulation[J]. Chinese Journal of Environmental Engineering, 2022, 16(8): 2540-2548.]

不同阳离子和碳氮比对反硝化性能及亚硝酸盐氮积累的影响

康沛伦¹, 李俊达¹, 叶晟祺¹, 陈泽彬¹, 黄博创¹, 崔理华¹, 余光伟^{1,2}, 梁瑜海^{1,2}✉

1. 华南农业大学资源环境学院, 广东省农业农村污染治理与环境安全重点实验室, 广州 510642; 2. 岭南现代农业科学与技术广东省实验室, 广州 510642

摘要 在序批式反应器(SBR)中, 采用乙酸钠为碳源, 通过硝酸钠和硝酸钙的交替投加、微量元素的投加以及碳氮比(COD/NO₃⁻-N)的改变, 探究了不同控制条件对反硝化性能及NO₂⁻-N积累的影响, 并分析了反应器中微生物种群演替特征。结果表明, 在以乙酸钠为碳源的SBR中, Ca²⁺浓度过高会抑制反硝化。以NaNO₃为NO₃⁻-N来源时, 硝酸盐氮还原率维持在50%左右; 相同条件下, 以Ca(NO₃)₂为NO₃⁻-N来源时, 硝酸盐氮还原率仅有20%。反应器中补充适量磷元素后, 硝酸盐氮还原率提高至62%, 同时有少量的亚硝酸盐氮积累。当C/N比提高为4后, 硝酸盐氮还原率大于98%, 长期运行下亚硝酸盐氮积累率平均为83.8%。高通量测序分析结果表明, 变形菌门和拟杆菌门在系统中占主导地位。NO₂⁻-N积累的关键功能菌属是Thauera菌属, 其最高占比为17.25%。以Ca(NO₃)₂为NO₃⁻-N来源时, Thauera菌属占比仅为0.14%。以上研究结果为短程反硝化的快速启动和稳定运行提供参考。

关键词 短程反硝化; 阳离子; 碳氮比; 微生物种群

大量含氮废水的排放会造成水体富营养化现象。从成本和去除效果考虑, 生物脱氮是公认的最佳脱氮方法^[1-3]。厌氧氨氧化(anaerobic ammonium oxidation, Anammox)工艺可以解决传统硝化反硝化存在的剩余污泥产量高、碳源和能源消耗等问题^[4]。在缺氧条件下, 厌氧氨氧化菌利用亚硝酸盐氮(NO₂⁻-N)为电子受体, 将氨氮(NH₄⁺-N)转化为氮气, 其具有节约碳源、能耗和污泥产量少等优点^[5-6]。在与Anammox组合的工艺中, 如何高效稳定地获取NO₂⁻-N是工艺运行的关键。短程硝化^[7-8]、短程反硝化(partial denitrification, PD)^[9]工艺等可为厌氧氨氧化工艺提供NO₂⁻-N。从反应路径和节省物耗能耗等方面来讲, 短程硝化是提供亚硝酸盐氮的最佳方法。但其在实际应用中抑制亚硝酸盐氧化菌(nitrite oxidizing bacteria, NOB)难度大, 控制要求高, 很难高效稳定的实现NO₂⁻-N积累^[4,10-13]。

PD工艺是指通过调控相关条件, 将全程反硝化(NO₃⁻-N→NO₂⁻-N→NO→N₂O→N₂)控制在NO₂⁻-N阶段^[14]。PD工艺的关键在于以NO₂⁻-N为产物的反硝化菌属的富集^[15-16]。目前影响PD工艺NO₂⁻-N

收稿日期: 2022-03-30; 录用日期: 2022-07-14

基金项目: 广东省自然科学基金-面上项目(2021A1515010904); 国家自然科学基金资助项目(51708229); 广东省科技计划项目(2021B1212040008)

第一作者: 康沛伦(1997—), 男, 硕士研究生, 13160619179@163.com; ✉通信作者: 梁瑜海(1986—), 男, 博士, 讲师, liangyuhai@scau.edu.cn

积累的主要因素有 C/N、pH、反应时间、反应器类型、碳源类型以及温度等。CAO 等^[17]在长期运行研究中发现, 上流式厌氧污泥床反应器的亚硝酸盐积累率 (nitrite accumulation rate, NAR) 仅为 51.0%, 而序批式反应器 (sequencing batch reactor, SBR) 中的 NAR 稳定高于 80%。袁怡等以乙酸钠为唯一碳源进行研究, 发现高 NAR 通常发生在低 C/N 条件下。DU 等^[18]发现, C/N 对高 NAR 的短程反硝化污泥影响不大, 认为系统富集的 *Thauera* 菌是只能还原 NO_3^- -N 为 NO_2^- -N 的短程反硝化菌。基于此, 不少研究者均实现了稳定的亚硝酸盐氮累积率^[19-22]。在 PD 工艺的研究中, 既有以硝酸钠作为 NO_3^- -N 来源^[23-24], 也有以硝酸钙作为 NO_3^- -N 来源^[25-26], 但两者对 PD 快速启动以及微生物变化的影响却鲜有报道。此外, 关于磷元素添加对 PD 工艺的反硝化性能及微生物种群的影响也需进一步研究。

因此, 本研究以乙酸钠为碳源, 在 SBR 中通过硝酸钠和硝酸钙的交替投加、微量元素的投加量以及 C/N 比的改变, 考察了不同条件对反硝化的性能及 NO_2^- -N 积累的影响, 并分析了反应器微生物种群演替特征, 以期为短程反硝化的快速启动及稳定运行提供参考。

1 材料与方法

1.1 实验装置与运行

本研究采用容积为 40 L 的圆柱形塑料容器(敞口)为反应器, 有效容积为 30 L。采用 2 个蠕动泵分别进行加水和排水, 并通过电动搅拌器进行搅拌。实验在缺氧的条件下运行, 温度为 25~30 °C。本实验共运行 111 d, 分为表 1 中所示的 4 个阶段。每天需进行 2 次洗泥, 用蠕动泵抽排上清液至 10 L, 再用自来水冲洗底泥, 加水至 30 L, 打开搅拌机 30 s, 后静置沉淀 10 min, 再重复 1 次上述步骤。随后运行 1 个周期, 1 个周期包括进水 (15 min)、反应 (表 1)、沉淀 (30 min)、排水 (15 min)、闲置 5 个阶段。反应时间为搅拌时间, 闲置时间为结束反应后至隔天洗泥前, 根据进水硝酸盐氮还原率 (nitrate reduction rate, NRR) 以及亚硝酸盐氮积累率 (nitrite accumulation rate, NAR) 的改变而改变, 在前者几乎完全还原的基础上, 后者累积达到最大时, 停止搅拌。在搅拌开始后 2 min 和结束后 2 min 取水样测定 NO_3^- -N 和 NO_2^- -N, 并测定温度、pH。

1.2 实验用水与实验接种污泥

实验用水采用人工配水, 主要成分是以硝酸钠 (阶段 I、III 和 IV)、硝酸钙 (只阶段 II) 和无水乙酸钠配制的 100 mg·L⁻¹ 的 NO_3^- -N 以及 300~400 mg·L⁻¹ 的 COD; 其他组分如下所示: 0.10 mg·L⁻¹ $\text{MgSO}_4 \cdot 7\text{H}_2\text{O}$, 0.40 mg·L⁻¹ CaCl_2 , 0.05 mg·L⁻¹ KH_2PO_4 (阶段 III、IV)。本实验 SBR 反应器接种泥为城市污水厂的污泥经短暂驯化后的反硝化污泥, 污泥质量浓度为 9.20 g·L⁻¹。阶段 I 结束时测得污泥质量浓度为 1.40 g·L⁻¹, 在阶段 II~IV, 控制污泥质量浓度在 1.40~1.60 g·L⁻¹。

1.3 典型周期实验

在 PD 启动成功后 (阶段 IV) 进行 1 次典型周期实验。在第 0、30、75、90、105、135、195、255 和 315 min 取水样, 测定 NO_3^- -N、COD 和 NO_2^- -N。其他实验条件与长期实验中阶段 IV 相同。

1.4 污泥的微生物特征分析

在前 3 个阶段的最后一日 (第 36、61、76 天) 以及阶段 IV 稳定运行 8 d 时 (第 85 天) 从反应器中采集污泥样品, 编号分别为 P1、P2、P3 和 P4。测序工作由上海生工生物工程股份有限公司负责进

表 1 短程反硝化 SBR 运行阶段

Table 1 Operation stage of partial denitrification SBR

阶段	时间/d	反应时间/min	COD/N	换水比/%
I	1~36	360	3	70
II	37~61	480	3	70
III	62~76	480	3	70
	77~80	480	4	70
IV	81~84	120~300	4	70
	85~111	70	4	70

行, 测序方法见文献^[27]。

1.5 分析方法和计算方法

整个实验过程每天取进、出水样进行检测, 采用N-(1-萘基)-乙二胺光度法测定NO₂⁻-N, 采用紫外分光光度法测定NO₃⁻-N, 采用多参数便携式水质分析仪(WTW Multi 3 630 IDS)测定温度和pH, 采用连华科技多参数水质测定仪(5B-6C)进行测定。COD为校准值, 因为NO₂⁻-N对COD测定贡献为1.14 g·g⁻¹(以COD/NO₂⁻-N计)^[28]; 硝酸盐氮还原率(NRR)、亚硝酸盐氮积累率(NAR)根据文献[21]计算。

2 结果与讨论

2.1 不同条件下反硝化性能的比较

1) 硝酸钠和硝酸钙为NO₃⁻-N来源对反硝化性能影响的对比。如图1(a)所示, 阶段I和II中NO₃⁻-N来源分别为NaNO₃以及Ca(NO₃)₂, NO₃⁻-N质量浓度为(100±5) mg·L⁻¹。接种污泥前1~6 d, 反应后NO₃⁻-N的平均质量浓度大于60 mg·L⁻¹, NRR小于40%。由图1(b)可见, 第1天时, 反应后NO₂⁻-N质量浓度为25.1 mg·L⁻¹, 第2~6天反应后NO₂⁻-N质量浓度呈下降趋势, 至1.6 mg·L⁻¹。这主要是因为接种泥源中反硝化菌属所占比例较低, 且受进水条件影响导致活性被抑制, 从而使得反应器反硝化性能较差。在阶段I第7~36天中, 出水NO₃⁻-N质量浓度由(100±5) mg·L⁻¹下降至(50±5) mg·L⁻¹, NRR大于50%, 反硝化性能比前一周明显增强。此时, 出水NO₂⁻-N质量浓度接近于0, 反应器仍然不具备短程反硝化性能。而出水COD为215 mg·L⁻¹, 说明并不是因为缺少有机碳源导致反硝化性能差。在阶段II(37~61 d), 将原配水中所用NaNO₃换为Ca(NO₃)₂后, NRR下降至20%, 反硝化性能明显变差, 且反应器出水NO₂⁻-N质量浓度为0.15 mg·L⁻¹。

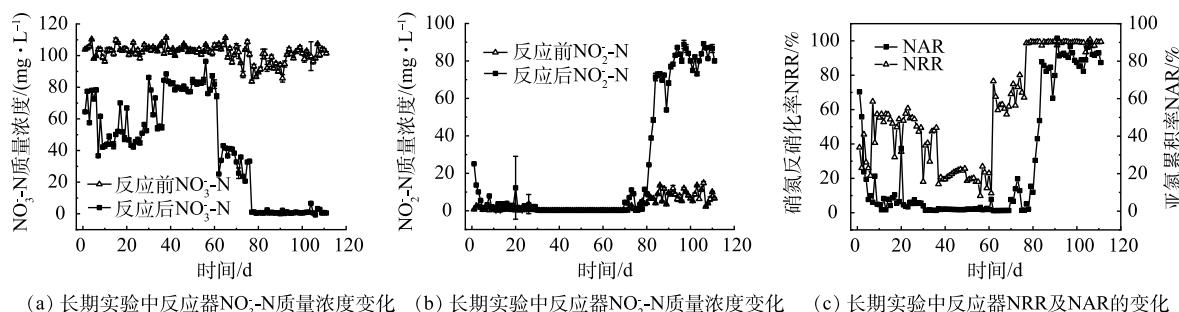


图1 长期实验中反应器氮素质量浓度、NRR及NAR的变化

Fig. 1 Changes of reactor nitrogen compounds, nitrate and nitrite accumulation rate in long-term experiments

对比阶段I与阶段II, 将NO₃⁻-N来源由NaNO₃换为Ca(NO₃)₂, 反应时间由360 min延长至480 min, 但反硝化性能反而变弱。Ca²⁺会与水中的磷酸盐结合, 生成钙的配合物或沉淀, 使得水中可供微生物利用的磷的含量减少。FERNANDEZ-NAVA等^[26]发现随着反硝化反应器中钙盐质量浓度的增加, 生物量生长速率和反硝化速率会受到抑制。娄红春等^[29]在稳定运行的活性污泥反应器中引入不同浓度的Ca²⁺, 来观测污泥形状、微生物酶活性、pH变化等, 结果表明, 过量的Ca²⁺引起污泥中无机成分增加, 生物酶的催化活性降低, 从而影响微生物的活性。而微生物的活性也直接影响着整个系统的性能。周昌琴等^[30]发现随着脱氮系统中的Ca²⁺浓度增加, 影响微生物的酶的活性受到一定程度的抑制, 包括过氧化氢酶、磷酸酶、脲酶和蛋白酶4种酶。此外, 反应器中投加Ca²⁺后, pH有所降低(图2)。其原因是Ca²⁺会消耗CO₃²⁻产生少部分碳酸钙沉淀, 使系统中的pH平衡遭到破坏。因此, 阶段II进出水的pH明显小于阶段I进出水的pH。而NO₃⁻-N还原为N₂是一个酶还原的过程, 主要取决于电子生产、转移和利用, 溶液中离子质量浓度和pH的会影

响相关还原酶的活性, 从而影响了反硝化性能。QIAN 等^[28]研究表明, 当 pH 为 9.0 时, 反应器的反硝化性能远高于 pH 为 5.0 和 7.0; 当 pH 为 9.0、进水 NO_3^- -N 质量浓度为 30~40 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 时, 出水质量浓度几乎为零。这与本实验中阶段 I 所得结果基本一致。CAO 等^[17]的研究表明, 系统配水为硝酸钠与甲醇, 并通过相关操作控制系统 pH 维持在 7.5, 当进水 NO_3^- -N 为 40 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 时, 50 min 左右已经全部被还原。值得注意的是, 本研究中 pH 与前者接近, 在 480 min 的反应时间内, NO_3^- -N 仅还原了 20 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 左右。由此可以说明, 在启动短程反硝化过程中, 高 pH 有利于反硝化的进行; 过量的 Ca^{2+} 可通过影响 pH 直接或间接抑制微生物活性, 从而导致反硝化性能降低。

由图 1 可见, 当阶段 III 反应时间为 480 min 时, 反应器中的 NO_3^- -N 仍然未被完全还原, 但与阶段 I (1~36 d) 相比, NRR>62%, 反硝化性能有明显提升; 对比配水条件, 阶段 III 仅比阶段 I 新增了磷酸二氢钾、硫酸镁和氯化钙。在 62~69 d 内, 反应后 NO_3^- -N 质量浓度平均为 35 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 左右, 呈现先下降后上升的趋势, 且在此期间, 反应后 NO_2^- -N 质量浓度几乎降至 0; 在随后的 7 d 内, NRR 对比之前有明显的上升, NO_2^- -N 的累积率为 10%。这也说明以 NO_2^- -N 为产物的短程反硝化菌的生长环境有所改善, 使得系统的 PD 性能有明显的提升。磷源在微生物的代谢中其重要作用, 磷源用于合成生物细胞中核酸、磷脂、辅酶及其他化合物, 缺乏磷源易造成 SBR 系统中活性污泥丝状菌膨胀。滕李军等^[31]通过控制不同磷源比例, 考察了不同 C/N/P 比对 SBR 系统的脱氮影响, 发现在磷源占比较低的系统内, 系统中微生物活性较低, 脱氮效果不佳; 在 C/N/P=100/5/1 和 C/N/P=100/5/0.8 时, 系统微生物活性较高, 脱氮效果较好, 而当系统中磷不足时, 无法产生足量微生物分解有机物。因此, 在短程反硝化实际应用中, 废水进水中如果磷源不足时, 应及时补充磷源。

2) 阶段 IV 典型周期实验分析。由图 1 可见, 当 C/N 比增加到 4 之后, 在第 77~80 天中, NO_3^- -N 的质量浓度由反应前的 100 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 降低至反应后的 0 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 左右, NRR 大于 99%。这表明系统已具备高效的反硝化性能。此外, 反应后 NO_2^- -N 的质量浓度为 0 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$, 几乎没有 NO_2^- -N 的累积。当反应时间由 480 min 降至 300 min 时, NAR 由 10% 升高至 27%, 停止搅拌时 NO_2^- -N 质量浓度为 24.58 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$; 进一步将反应时间缩短至 240 min 时, NAR 升高至 38%; 缩短至 120 min 时, NAR 增大至约 80%。研究人员普遍认为, NAR 大于 80% 是 PD 反应器成功启动的标志^[32]。这说明本研究成功启动了短程反硝化。在此后的运行中, 由于短程反硝化菌的富集, PD 性能有了进一步的提升。缺氧运行时间由 120 min 降低至 70 min, NO_3^- -N 已全部被还原, NAR 稳定在 80% 及以上(均值 83.8 %)。这说明反应器已具备稳定高效的 PD 性能, 且略优于文献所报道结果^[19, 21-22]。在启动 PD 工艺的过程中, 当 NO_3^- -N 已被完全还原, 缩短反应时间有利于 NO_2^- -N 的累积。

图 3 为阶段 IV 稳定阶段典型周期内氮素的转化、COD 的去除以及 pH 的变化图。由图 3 可见, 在反应器初始阶段 (0~75 min) 内, 由于碳源充足, NO_3^- -N 与 COD 在短时间内被迅速转化和消耗, pH 随着有机物的消耗也相应地升高。 NO_2^- -N 的质量浓度呈直线上升且在反应器中迅速累积, 由 7.27 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 增加至 97.94 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$, 75 min 时系统 NAR 达到周期内峰值, 此时 NAR 为 92%, 高于文献报道的平均水平。在随后的 240 min 内, 由于基质匮乏, 除了 pH 有明显降低外, 其他指标均维持在一定水平且略有降低; pH 由 9.364 降至 8.697, NO_2^- -N 仍然保持较高水平, 反应结束时质量浓度仅降低至 93.35 $\text{mg}\cdot\text{L}^{-1}$, NAR 仍然保持在 89%。这表明反应器 PD 性能已达到较优状态。而 NO_3^- -N

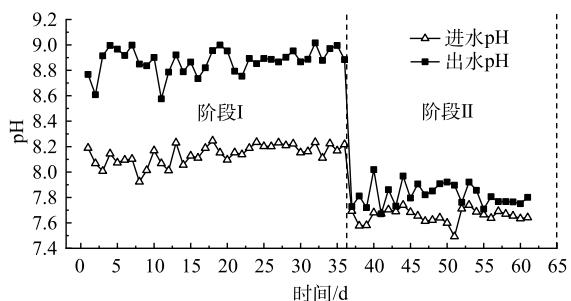


图 2 阶段 I、阶段 II 的 pH 变化

Fig. 2 pH changes in stage I and stage II

和 COD 在反应结束时仍然未被完全反应，分别为 $3.22 \text{ mg}\cdot\text{L}^{-1}$ 和 $7.47 \text{ mg}\cdot\text{L}^{-1}$ ，还原率和去除率分别为 97% 和 98%。在实验的 75 min 后继续搅拌， NO_2^- -N 浓度并没有显著下降。这是因为反硝化菌可以利用的有机物几乎完全被消耗，碳源的匮乏使得反硝化速率较低。

2.2 反应器中功能微生物特征

1) 生物多样性。本研究采用 Shannon 指数和 ACE 指数对样品微生物进行综合评估。Shannon 指数的大小与微生物生物多样性的高低以及污泥中微生物的均匀程度成正比。ACE 指数的高低与污泥样品中的微生物群落丰富度呈正比。ACE 指数越高，表明污泥样品中的群落丰富度越高。微生物数据统计结果表明，4 个阶段的污泥样品 Shannon 指数和 ACE 指数分别为 3.38、1.91、2.50、2.93 和 714.48、650.16、644.91、615.11。污泥样品的 Shannon 指数排序为 P1>P4>P3>P2，ACE 指数排序为 P1>P2>P3>P4。造成这种差异的原因是微生物的均匀程度不同。综合各指数可以看出，污泥样品 P4 中微生物的群落丰富度较低，种群分布较均匀，富集程度较高，微生物系统较为稳定。

2) 各阶段微生物门水平变化。图 4 为不同条件下反应器中活性污泥在门水平上的微生物特征。由图 4 可见，在 4 个阶段中，相对丰度最高的是 *Proteobacteria*(变形菌门)，其次是 *Chloroflexi*(绿弯菌门) 以及 *Bacteroidetes*(拟杆菌门)。在阶段 I~IV 中微生物相对丰度存在一定的差别。在阶段 I 中分别为变形菌门(50.79%)、绿弯菌门(20.89%)、拟杆菌门(3.85%)；在阶段 II 中分别为变形菌门(88.72%)、绿弯菌门(3.70%)、拟杆菌门(0.88%)。而在阶段 III 中，变形菌门(77.17%)、拟杆菌门(7.01%)、绿弯菌门(6.31%)；在阶段 IV 中，变形菌门(74.71%)、拟杆菌门(5.19%)、绿弯菌门(8.27%)这 3 个门的总比例接近 90%。这进一步地证明了反应器中相关功能菌富集程度高^[23]。其中，变形菌门在反应器中处于主导地位，大多数与脱氮相关的功能菌(如氨氧化菌、亚硝酸盐氧化菌和反硝化菌等)都属于变形菌门，在各阶段丰度依次为 P2>P3>P4>P1。变形菌门的相对丰度在阶段 II 进一步增大，占绝对的主导地位。高丰度的变形菌门是反应器能取得高效稳定的 NAR 的基础，但反应器的 NRR 和 NAR 反而降低了，可见过量的 Ca^{2+} 对菌群的脱氮功能的实现产生负面影响。在此前关于短程反硝化的研究中也表明，变形菌门通常在反应器中占比较高(44%~82%)^[32]。这与本研究所得结果相似。绿弯菌门和拟杆菌门可以降解易溶有机物和胞外聚合物^[33]，而 Ca^{2+} 可以将水中可溶性的蛋白质和多糖絮凝沉淀^[34]。这可能是绿弯菌门和拟杆菌门的相对丰度在阶段 II 幅减小的原因之一。拟杆菌门在氮循环中还能起到反硝化的作用^[35-36]，所以在阶段 IV 中拟杆菌门占比(8.27%)大于前 3 个阶段。

3) 各阶段微生物属水平变化。图 5 为反应器 4 个阶段污泥样品在属水平上的微生物特征。由

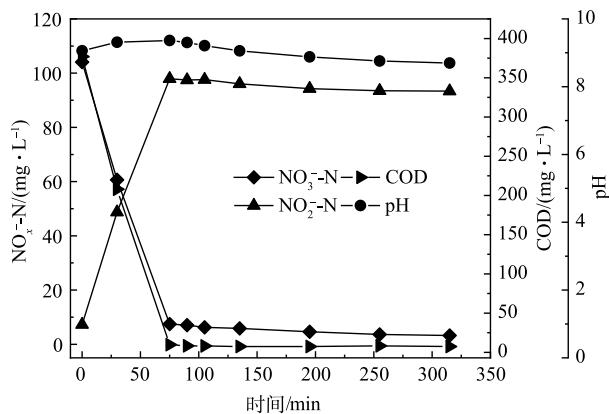


图 3 阶段 IV 反应器典型周期内氮素转化、COD 的去除以及 pH 的变化曲线

Fig. 3 Variation curves of nitrogen conversion, COD removal and pH in typical cycle of stage IV

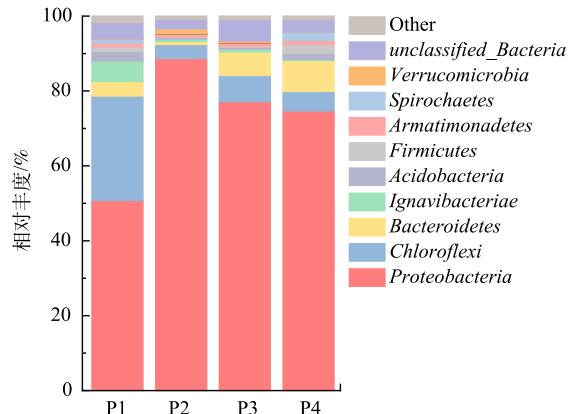


图 4 反应器门水平微生物群落柱状图

Fig. 4 Bar chart of the microbial community at the phylum level of SBR reactors

图5可见, 反应器在4个阶段中, unclassified_ *Rhodobacteraceae*(红杆菌科)所占比例都比较大, 分别为23.89%、63.69%、54.22%、36.29%。*Nitrosomonas*(亚硝化单胞菌属)也有一定占比, 在4个阶段的样品中相对丰度分别为0.87%、0.96%、0.99%、1.18%。亚硝化单胞菌属是自养型AOB, 在有氧条件下能将NH₄⁺-N氧化为NO₂⁻-N。在阶段I, 占比超过10%的其余菌属分别为unclassified_ *Rhodocyclaceae*(16.81%), unclassified_ *Anaerolineaceae*(12.83%)。*Rhodocyclaceae*(红藻科)是反硝化系统中经常被发现的一种反硝化聚磷菌, 在污水厂除磷中起到重要作用, 但也不具备脱氮性能^[37-38]。*Longilinea*菌属和*Ignavibacterium*菌属的占比也相对较高, 分别为9.28%及5.50%, 而*Thauera*(陶厄氏菌属), 占比仅为0.39%。与其他阶段不同的是, 阶段I中*Ignavibacterium*菌属是其他阶段的数百倍, 是反应器中占优势地位的反硝化菌^[39]。由于反硝化菌占比较低, 使得阶段I中NRR不高。与其他以硝酸钠作为NO₃⁻-N的阶段相比, 在阶段II中, 系统中的反硝化菌*Ignavibacterium*在两周时间几乎消失, 且*Thauera*菌也仅有0.14%, 在4个阶段中处于最低水平。这也说明在乙酸钠为碳源的反应器中, 过多的Ca²⁺会影响反硝化菌*Thauera*和*Ignavibacterium*的富集, 使得反应器的反硝化性能变差。阶段II中优势菌属为红杆菌科。有研究表明, 红杆菌科多为化学异养菌, 可以促进胞外聚合物EPS的分泌^[40], 被认为是重要的反硝化菌群^[41-42], 并且能够降解复杂的有机物^[43]。作为反硝化菌, unclassified_ *Rhodobacteraceae*的相对丰度由阶段I时的23.89%增加到阶段II的63.69%, 其在反应器中主导菌属的地位得到进一步巩固。有研究^[44]表明, 微生物群落的多样越高, 反应器脱氮效率越高。在本研究中, 阶段II时PD反应器内的微生物多样性是整个启动过程中最低的, 可见过量的Ca²⁺会将无法适应的细菌淘汰出PD反应器, 从而降低短程反硝化系统的微生物多样性, 影响反应器的反硝化性能。在阶段III中, *Thauera*相比阶段II时数量翻了16倍, 短程反硝化菌的富集较为迅速。研究显示, 对于缺磷的系统会限制细菌的生长^[45], 投加磷酸盐可以富集异养反硝化菌和反硝化聚磷生物(denitrifying phosphorus accumulation organisms, DPAOs), 从而提高反应器的反硝化性能^[46]。这也表明适量的磷源有利于短程反硝化菌的富集。因此, 在实际废水处理中, 如若进水含磷量较少的话可以适量补充, 有利于反硝化的顺利进行。在阶段IV中, 反应器的平均NAR为83.8%, 而*Thauera*是反应器中的优势菌属之一, 占比高达17.25%。*Thauera*已经被确定为短程反硝化过程中高效产生NO₂⁻-N的功能性细菌, 在先前关于PD的研究中被广泛检测到, 且在微生物群落中占据主导地位^[15, 47]。

4) 微生物功能预测分析。本研究基于FAPROTAX分析绘制heatmap对微生物功能进行预测, FAPROTAX是基于目前对可培养菌的文献资料手动整理的原核功能注释数据库。由图6可知, NO₃⁻-N的还原(nitrate reduction)在各阶段占比与各阶段的NRR呈正相关, P4(9.14%)>P3(2.65%)>P1(1.64%)>P2(0.89%)。这进一步验证了在阶段IV中, 反应器的反硝化性能最强; 与此同时, 阶段IV中氮呼吸(nitrogen respiration)、硝酸盐呼吸(nitrate respiration)和亚硝酸盐呼吸(nitrite respiration)的占比也是最高的, 分别为9.91%、9.11%和8.83%。这使得反应器在阶段IV保持着高效稳定的NRR,

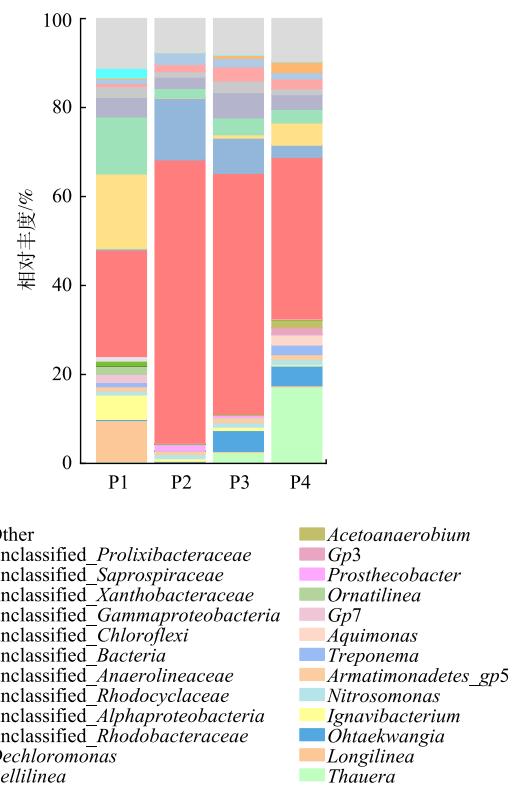


图5 反应器属水平微生物群落柱状图

Fig. 5 Bar chart of the microbial community at the genus level of SBR reactors

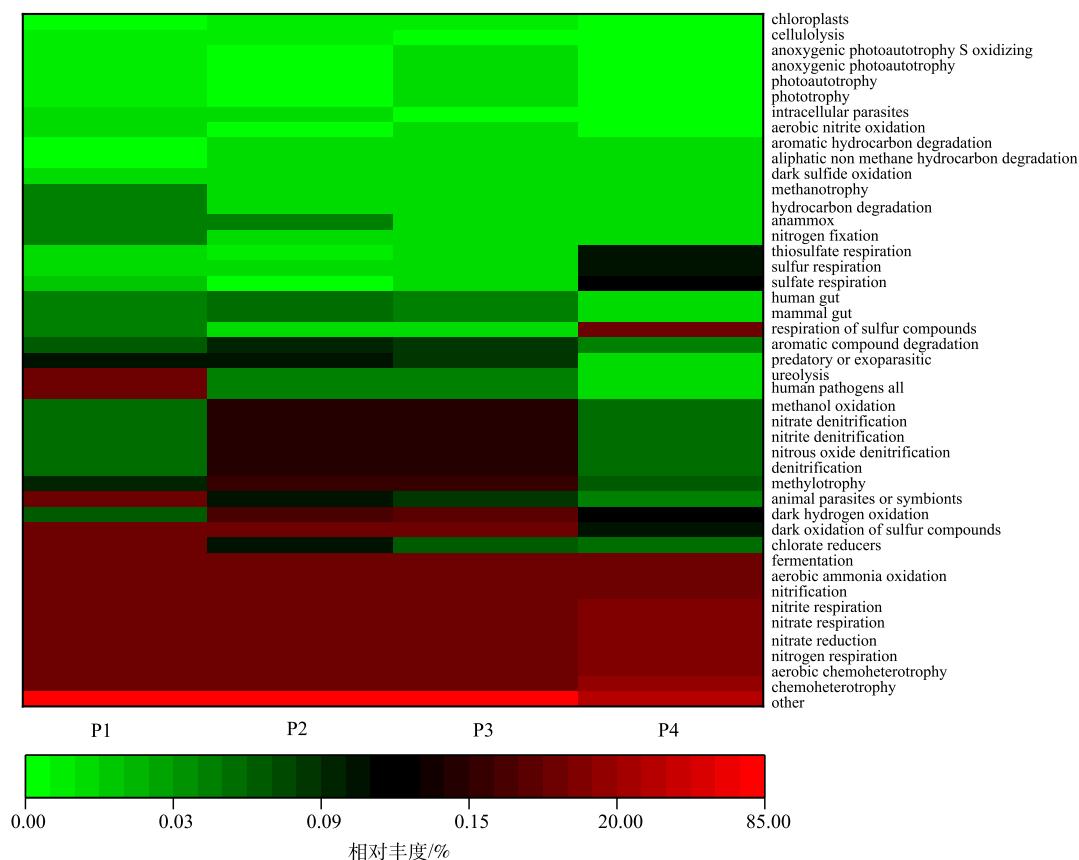


图 6 微生物 FAPROTAX 分析

Fig. 6 Microbial FAPROTAX Analysis

比其他研究所得结果略高^[22]。此外，反应器中存在部分的好氧氨氧化 (aerobic ammonia oxidation)，这是微生物中亚硝化单胞菌属 (*Nitrosomonas*) 的存在导致的。一方面，本研究中 PD 反应器是在敞口条件下搅拌运行的，并非严格缺氧环境，由于搅拌使得空气中的氧气进入反应器，为氨氧化细菌的生长创造了有氧环境；另一方面，氨氧化所需底物 NH_4^+ -N 来源于微生物的内源过程，利用微生物代谢、衰亡产生的蛋白质或其他含氮有机物，产生 NH_4^+ -N，从而为氨氧化提供反应底物。

3 结论

1) 以乙酸钠为碳源时， Ca^{2+} 质量浓度过高会抑制反硝化。以 NaNO_3 为 NO_3^- -N 的来源时，硝酸盐氮还原率维持在 50% 左右；相同条件下，以 $\text{Ca}(\text{NO}_3)_2$ 为 NO_3^- -N 的来源时，硝酸盐氮还原率仅有 20%。在实际废水处理中，适量的磷有利于反硝化脱氮的顺利进行。长期运行下亚硝酸盐氮积累率平均为 83.8%。

2) 当碳氮比 (COD/ NO_3^- -N) 提高为 4 时，反应器实现了稳定的短程反硝化，硝酸盐氮还原率大于 98%，平均 NAR 为 83.8%。

3) 在反应器中变形菌门和拟杆菌门占主导地位。 NO_2^- -N 积累的关键功能菌属是 *Thauera* 菌属，其最高占比为 17.25%。以 $\text{Ca}(\text{NO}_3)_2$ 为 NO_3^- -N 的来源时，*Thauera* 菌属占比仅为 0.14%。

参考文献

- [1] JIN L, ZHANG G, TIAN H. Current state of sewage treatment in China[J]. *Water Research*, 2014, 66: 85-98.
- [2] KOWALSKI M S, DEVLIN T R, DI BIASE A, et al. Effective nitrogen removal in a two-stage partial nitritation-anammox reactor treating municipal wastewater - Piloting PN-MBBR/AMX-IFAS configuration[J]. *Bioresource Technology*, 2019, 289: 121742.

- [3] ZHANG Q H, YANG W N, NGO H H, et al. Current status of urban wastewater treatment plants in China[J]. *Environment International*, 2016, 92-93: 11-22.
- [4] WINKLER M K, STRAKA L. New directions in biological nitrogen removal and recovery from wastewater[J]. *Current Opinion in Biotechnology*, 2019, 57: 50-5.
- [5] ALI M, OKABE S. Anammox-based technologies for nitrogen removal: Advances in process start-up and remaining issues[J]. *Chemosphere*, 2015, 141: 144-53.
- [6] WAKI M, YASUDA T, FUKUMOTO Y, et al. Effect of electron donors on anammox coupling with nitrate reduction for removing nitrogen from nitrate and ammonium[J]. *Bioresource Technology*, 2013, 130: 592-598.
- [7] CHI Y, SHI X, JIN P, et al. Enhanced nitrogen removal by partial nitrification-anammox process with a novel high-frequency micro-aeration (HFMA) mode: Metabolic interactions among functional bacteria[J]. *Bioresource Technology*, 2021, 342: 125917.
- [8] 张肖静, 张涵, 周月, 等. 亚硝化-厌氧氨氧化工艺的启动及微生物种群演替规律研究[J]. 轻工学报, 2019, 34(6): 56-63.
- [9] LU W, ZHANG Y, WANG Q, et al. Achieving advanced nitrogen removal in a novel partial denitrification/anammox-nitrifying (PDA-N) biofilter process treating low C/N ratio municipal wastewater[J]. *Bioresource Technology*, 2021, 340: 125661.
- [10] LIU Y J, GU J, LIU Y. Energy self-sufficient biological municipal wastewater reclamation: Present status, challenges and solutions forward[J]. *Bioresource Technology*, 2018, 269: 513-9.
- [11] MA B, WANG S, CAO S, et al. Biological nitrogen removal from sewage via anammox: Recent advances[J]. *Bioresource Technology*, 2016: 200981-90.
- [12] LACKNER S, GILBERT E M, VLAEMINCK S E, et al. Full-scale partial nitritation/anammox experiences: An application survey[J]. *Water Research*, 2014, 55: 292-303.
- [13] KUENEN J G. ANAMMOX bacteria: From discovery to application[J]. *Nature Reviews Microbiology*, 2008, 6(4): 320-326.
- [14] 赖城, 张大超, PHILIP A, 等. 短程反硝化/厌氧氨氧化工艺研究进展[J]. 环境污染与防治, 2021, 43(11): 1452-1459.
- [15] DU R, PENG Y, JI J, et al. Partial denitrification providing nitrite: Opportunities of extending application for anammox[J]. *Environment International*, 2019, 131: 105001.
- [16] MA B, XU X, WEI Y, et al. Recent advances in controlling denitrification for achieving denitration/anammox in mainstream wastewater treatment plants[J]. *Bioresource Technology*, 2020, 299: 122697.
- [17] CAO X, QIAN D, MENG X. Effects of pH on nitrite accumulation during wastewater denitrification[J]. *Environment International*, 2013, 34(1-4): 45-51.
- [18] DU R, PENG Y, CAO S, et al. Mechanisms and microbial structure of partial denitrification with high nitrite accumulation[J]. *Applied Microbiology and Biotechnology*, 2016, 100(4): 2011-21.
- [19] 毕春雪, 于德爽, 杜世明, 等. 乙酸钠作为碳源不同污泥源短程反硝化过程亚硝酸盐积累特性[J]. 环境科学, 2019, 40(2): 783-790.
- [20] 董晓莹, 彭党聪. 不同碳氮比下污水反硝化过程中亚硝氮积累的特性研究[J]. 环境科学学报, 2017, 37(9): 3349-3355.
- [21] SI Z, PENG Y, YANG A, et al. Rapid nitrite production via partial denitrification: pilot-scale operation and microbial community analysis[J]. *Environmental Science: Water Research & Technology*, 2018, 4(1): 80-86.
- [22] 张星星, 王超超, 王垚, 等. 基于不同废污泥源的短程反硝化快速启动及稳定性[J]. 环境科学, 2020, 41(8): 3715-3724.
- [23] DU R, CAO S, ZHANG H, et al. Formation of partial-denitrification (PD) granular sludge from low-strength nitrate wastewater: The influence of loading rates[J]. *Journal of Hazardous Materials*, 2020, 384: 121273.
- [24] 申慧彦, 汪河, 姚亮, 等. 硝酸盐对短程反硝化过程中亚硝酸盐积累影响[J]. 环境科学与技术, 2021, 44(5): 1-7.
- [25] SHENG H, WENG R, ZHU J, et al. Calcium nitrate as a bio-stimulant for anaerobic ammonium oxidation process[J]. *Science of the Total Environment*, 2021, 760: 143331.
- [26] FERNANDEZ-NAVA Y, MARANON E, SOONS J, et al. Denitrification of wastewater containing high nitrate and calcium concentrations[J]. *Bioresource Technology*, 2008, 99(17): 7976-81.
- [27] 王彬允, 贾方旭, 高梦佳, 等. 不同基因水平的厌氧氨氧化污泥功能微生物特性[J]. 中国给水排水, 2016, 32(13): 96-101.
- [28] QIAN W, MA B, LI X, et al. Long-term effect of pH on denitrification: High pH benefits achieving partial-denitrification[J]. *Bioresource Technology*, 2019, 278: 444-9.
- [29] 娄红春, 林青山, 高敏杰, 等. 钙离子对污泥系统脱氮的影响及恢复研究[J]. 淮阴工学院学报, 2018, 27(1): 41-45.
- [30] 周昌琴, 孔秀琴, 陈磊, 等. PESA对高钙废水中污泥酶活性的影响[J]. 环境工程学报, 2017, 11(4): 2212-2218.
- [31] 滕李军. SBR法处理磷源缺乏模拟污水的试验研究[D]. 沈阳: 沈阳建筑大学, 2014.
- [32] CAO S, DU R, LI B, et al. Nitrite production from partial-denitrification process fed with low carbon/nitrogen (C/N) domestic wastewater: performance, kinetics and microbial community[J]. *Chemical Engineering Journal*, 2017, 326: 1186-96.
- [33] KINDAICHI T, YURI S, OZAKI N, et al. Ecophysiological role and function of uncultured Chloroflexi in an anammox reactor[J]. *Water Science and Technology*, 2012, 66(12): 2556-61.
- [34] ZHOU L, DONG N, YE B, et al. Assessing effects of Ca(2+) addition on membrane bioreactor performance and macro-floc sludge characteristics[J]. *Science of the Total Environment*, 2021, 798: 149223.
- [35] 王晗, 李瀚翔, 陈猷鹏, 等. 盐度条件下ANAMMOX-EGSB反应器颗粒污泥微生物群落[J]. 环境科学, 2019, 40(4): 1906-1913.
- [36] HU M, WANG X, WEN X, et al. Microbial community structures in different wastewater treatment plants as revealed by 454-pyrosequencing analysis[J]. *Bioresource Technology*, 2012, 117: 72-9.
- [37] VILAR-SANZ A, POUS N, PUIG S, et al. Denitrifying nirK-containing alphaproteobacteria exhibit different electrode driven nitrite reduction capacities[J]. *Bioelectrochemistry*, 2018, 121: 74-83.
- [38] ZHANG Q, ZHANG C, ZHU Y, et al. Effect of bacteria-to-algae volume ratio on treatment performance and microbial community of a novel heterotrophic nitrification-aerobic denitrification bacteria-chlorella symbiotic system[J]. *Bioresource Technology*, 2021, 342: 126025.
- [39] SONG H, LIU J. Forward osmosis membrane bioreactor using bacillus and membrane distillation hybrid system for treating dairy wastewater[J].

- [40] HAN F, ZHANG M, LIU Z, et al. Enhancing robustness of halophilic aerobic granule sludge by granular activated carbon at decreasing temperature[J]. *Chemosphere*, 2022, 292: 133507.
- [41] ZHANG Z, YU Z, WANG Z, et al. Understanding of aerobic sludge granulation enhanced by sludge retention time in the aspect of quorum sensing[J]. *Bioresource Technology*, 2019, 272: 226-34.
- [42] HANKE A, BERG J, HARGESHEIMER T, et al. Selective pressure of temperature on competition and cross-feeding within denitrifying and fermentative microbial communities[J]. *Frontiers in Microbiology*, 2015, 6: 1461.
- [43] NGUYEN N H A, EL-TEMSAH Y S, CAMBIER S, et al. Attached and planktonic bacterial communities on bio-based plastic granules and micro-debris in seawater and freshwater[J]. *Science of the Total Environment*, 2021: 147413.
- [44] 尹斌宇, 史青, MONTCHO L M, 等. A/O MBR处理生活污水效率与菌群多样性的关系[J]. *环境科学*, 2012, 33(6): 2061-2067.
- [45] ROMANO S, SCHULZ-VOGT H N, GONZALEZ J M, et al. Phosphate limitation induces drastic physiological changes, virulence-related gene expression, and secondary metabolite production in *Pseudovibrio sp.* strain FO-BEG1[J]. *Applied and Environmental Microbiology*, 2015, 81(10): 3518-28.
- [46] WANG Z, HE S, HUANG J, et al. Comparison of heterotrophic and autotrophic denitrification processes for nitrate removal from phosphorus-limited surface water[J]. *Environmental Pollution*, 2018, 238: 562-72.
- [47] SHI L, DU R, PENG Y. Achieving partial denitrification using carbon sources in domestic wastewater with waste-activated sludge as inoculum[J]. *Bioresource Technology*, 2019, 283: 18-27.

(责任编辑:曲娜)

Effects of different cations and C/N on denitrification performance and nitrite accumulation

KANG Peilun¹, LI Junda¹, YE Shengqi¹, CHEN Zebin¹, HUANG Bochuang¹, CUI Lihua¹, YU Guangwei^{1,2}, LIANG Yuhai^{1,2,*}

1. College of Natural Resources and Environment, South China Agricultural University, Guangdong Provincial Key Laboratory of Agricultural & Rural Pollution Abatement and Environmental Safety, Guangzhou 510642, China; 2. Guangdong Laboratory for Lingnan Modern Agriculture, Guangzhou 510642, China

*Corresponding author, E-mail: liangyuhai@scau.edu.cn

Abstract Sodium acetate was used as the carbon source in a sequencing batch reactor (SBR), and the effects of different control conditions on denitrification performance and NO_2^- -N accumulation were investigated by alternate dosing of sodium nitrate and calcium nitrate, the dosing of trace elements and the change of C/N ratio, and the characteristics of microbial population succession in SBR were also analyzed. The results showed that high Ca^{2+} concentration inhibited denitrification performance in the SBR reactor with sodium acetate as the carbon source. The nitrate nitrogen reduction rate was maintained at about 50% when NaNO_3 was used as the NO_3^- -N source; under the same conditions, the nitrate nitrogen reduction rate was only 20% when $\text{Ca}(\text{NO}_3)_2$ was used as the NO_3^- -N source. When SBR was supplemented with appropriate amount of phosphorus, the nitrate reduction rate could increase to 62%, while the accumulation of a small amount of nitrite occurred. When the carbon to nitrate ratio (COD/NO_3^- -N) increased to 4, the nitrate reduction rate was greater than 98%, and the nitrite accumulation rate was 83.8% on average under long-term operation. High-throughput sequencing analysis showed that *Proteobacteria* and *Bacteroidetes* dominated the system, the key functional genus for NO_3^- -N accumulation was *Thauera*, which had the highest percentage of 17.25%. The percentage of *Thauera* was only 0.14% when $\text{Ca}(\text{NO}_3)_2$ was used as the source of NO_3^- -N. These results provide a theoretical support for the rapid start-up and stable operation of partial denitrification.

Keywords partial denitrification; cation; COD/NO_3^- -N; microbial community